



Freitag, 25.02.2005

- 13:30 **BEGRÜßUNG**
- S. Pollak (Freiburg)**
Präsident der Deutschen Gesellschaft für Rechtsmedizin
- bis 16:00 **VORTRÄGE**
- R. Klein, E. Miltner, P. Wiegand (Ulm)**
Short-Amplicon-PCR mit ACTBP2 (SE33)
- P. Grubwieser, R. Mühlmann, M. Pavlic, W. Parson (Innsbruck)**
Short amplicon STR-multiplex für die Untersuchung der degradationssensitivsten Marker der SGMplus (D16, D2, D18, FGA) für Spuren und DNA-Datenbankanwendungen
- H. Rodig, Biotype AG (Dresden)**
Mentype[®] PCR Amplification Kits – optimiert für die Spurenanalyse
- K. Bender (Mainz)**
Eine neue Multiplex-PCR zur Typisierung von telogenen Haarwurzeln
- E. Müller, BKA (Wiesbaden)**
Optimierung der Methoden zur STR-Typisierung in telogenen Haaren
- G. Weichhold, Applied Biosystems (Darmstadt)**
Yfiler: Ein neues, integriertes System zur Y-STR-Analyse
- C. Proff (Köln)**
DNA-Anhaftungen an benutzten Fingerabdruckpinseln - Eine Quelle mgl. Kontamination?
- R. Schubert, L. Giesen, W. Hell, Medigenomix GmbH (Martinsried)**
Seltene Allele, Nullallele und 3- und 4- Bandenmustern bei der Analyse von Datenbankproben
- 16:00 bis 16:30 **PAUSE / Besuch der Industrieausstellung**
- 16:30 **C. Hohoff, M. Schürenkamp und B. Brinkmann (Münster)**
GEDNAP – Ringversuche 28 + 29
- 19:30 **ABENDESSEN: Stadthotel Kolpinghaus**



Samstag, 26.02.2005

9:00 bis 11:00

VORTRÄGE

B. Rolf (München)

Anwendung von Real-Time-PCR für die Spurenuntersuchung

T. Senge, A. Junge, B. Madea (Bonn)

Entwicklung von zwei SNP-Assays zur DNA-Typisierung an forensischen Materialien

F. Schilz und S. Hummel (Göttingen)

Menschenopferstätte oder Bestattungsplatz – DNA-Typisierungen zur Rekonstruktion von Verwandtschaft in einem 3000 Jahre alten Skelettkollektiv aus der Bronzezeit

M. A. Verhoff, V. Pipper, C. Gruber, G. Weiler, F. Heidorn (Gießen)

Sequenzierung des D-Loops der mtDNA nach Single Cell Picking - neue methodische Ansätze mit Erhöhung der Erfolgsquote

A. Brandstätter, S. Lutz, T. Sängler, H.-J. Bandelt, W. Parson (Freiburg/Innsbruck)

Phantom Mutationen in der mtDNA Kontrollregion – Beschreibung, Erkennung und Vermeidung von Sequenzierartefakten durch präzise Auswertung nach redundanter Sequenzierung

W. Mann, T. Zacher, U. Schön, K. Hagen-Mann, Alopex GmbH (Kulmbach)

Strukturierte BioChips zur Analytik kleinster DNA Mengen

B. Loddenkötter, V. Podsadlowski, B. Brinkmann, C. Hohoff, T. Börchers (Münster)

Einsatzpotential von DNA-Chips bei der Tierartendifferenzierung in der Forensik

R. Watts, Invitrogen (Kent/UK)

ChargeSwitch[®] Technology – A Novel Highly Sensitive DNA Purification Technology, Optimised For Forensic Applications

11:00 bis 11:30

PAUSE / Besuch der Industrieausstellung

11:30 bis 12:45

VORTRÄGE

K. Lorenz, Promega GmbH (Mannheim)

Innovativer Ansatz zur differentiellen Extraktion

K. Anslinger (München)

Markierung und Isolierung männlicher Zellen

M. Jung, BJ-Diagnostik GmbH (Gießen)

Likelihood Ratio Berechnung bei beliebigen Stammbaumszenarien

P. Reitz, BJ-Diagnostik GmbH (Gießen)

Plausibilitätsprüfungen von DNA-Profilen

G. Sasse, B. Sauter (Aargau/Nottwil CH)

Digitale Blutspurenanalyse im 3D dokumentierten Tatort

12:45 bis 13:00

ABSCHLIEßENDE DISKUSSION

13:00

ABSCHIEDSIMBISS